

Biblioteca

FORMATO DE ENTREGA DE TRABAJO DE GRADO Y AUTORIZACIÓN DE USO A FAVOR DE LA UNIVERSIDAD EL BOSQUE

1. MENCIÓN DE RESPONSABILIDAD

1.1 Autores:

Apellidos FORERO CASTRO Nombres NIDIA JANETH

1.2 Colaboradores

Apellidos PELAEZ CARVAJAL Nombres DIOSELINA Responsabilidad DIRECTORA

Apellidos LAYTON Nombres KATHERINE Responsabilidad CODIRECTORA

2. TITULO DEL TRABAJO

2.1 Título en español

IDENTIFICACIÓN DE GENOTIPOS DEL VIRUS DE LA HEPATITIS B Y MUTACIONES EN LOS GENES P Y S, A PARTIR DE MUESTRAS DE SUEROS PROCEDENTES DE TREINTA Y DOS DEPARTAMENTOS DE COLOMBIA, 2002 - 2014.

2.2 Título en inglés

IDENTIFICATION OF GENOTYPES OF THE HEPATITIS VIRUS BY MUTATIONS IN THE P AND S GENES, STARTING FROM SAMPLES OF SERIES FROM THIRTY TWO DEPARTMENTS OF COLOMBIA, 2002 - 2014.

3. PUBLICACIÓN Y DESCRIPCIÓN FÍSICA

3.1 Información de publicación:

Ciudad: BOGOTÁ Año: 2018

Facultad: CIENCIAS

Programa académico: MAESTRÍA EN CIENCIAS BÁSICAS BIOMÉDICAS

Otras instituciones Participantes: INSTITUTO NACIONAL DE SALUD

Título profesional obtenido: MAGISTER EN CIENCIAS BÁSICAS BIOMÉDICAS

3.2 Descripción física:

3.2.1 No. de páginas (solo las numeradas), o cantidad de volúmenes: 70

3.2.1 Ilustraciones: (seleccione en frente con una "x" el tipo de ilustración contenida en el documento)

a. ilustraciones en general X	d. tablas, gráficos, diagramas, etc. X	g. música impresa
b. mapas	e. planos	h. facsímiles
c. retratos	f. láminas	i. escudos

4. NOTAS GENERALES

4.1 Notas

NO

4.2 Resumen del contenido:

Introducción: La hepatitis B es una enfermedad causada por el virus de la hepatitis B (VHB) que es el tipo más grave de hepatitis vírica en todo el mundo constituyéndose así en un importante problema de salud pública. Se estima que 257 millones de personas

están infectadas crónicamente con el virus de hepatitis B y que todavía hay acceso limitado al diagnóstico y tratamiento de la hepatitis B en muchos contextos con recursos limitados. En Colombia el patrón de endemicidad es heterogéneo con circulación de diferentes genotipos virales. El virus de hepatitis B tiene una alta tasa de mutaciones a lo largo del genoma que le confieren resistencia a la terapia antiviral o le permiten escapar de la respuesta inmune del hospedero tras la vacunación o por infección natural y en otros casos causar infección oculta y progresión a carcinoma hepatocelular (CHC).

Objetivo: Identificar genotipos del virus de la hepatitis B (VHB) y mutaciones en los genes S y P en muestras de la seroteca del laboratorio de virología del Instituto Nacional de Salud recolectadas de los treinta y dos departamentos de Colombia durante el período 2002 a 2014.

Metodología: A partir de 495 muestras de suero positivas para HBsAg se realizó detección molecular y posteriormente secuenciación de una región de 1591 nucleótidos correspondiente a los genes P y S. Finalmente se realizó análisis filogenético e identificación de mutaciones de resistencia y escape.

Resultados: En 66 muestras (13,3%) se logró la detección molecular del genoma viral y 28 muestras (42,4%) fueron exitosamente secuenciadas. El análisis filogenético permitió identificar los genotipos/subgenotipos F3 y A2. La muestra 49884_Cundinamarca_CO_2003 presentó simultáneamente las sustituciones asociadas con resistencia L180M y M204V, mientras que la muestra 60265_Cesar_CO_2004 presentó la mutación de resistencia I169L. Se identificó la mutación P120Q en la muestra 48877_Guaviare_CO_2002. Dos de las muestras presentaron una delección de 105 nucleótidos en la región preS1-preS2.

Conclusiones: Se confirmó la circulación en Colombia de los genotipos/subgenotipos F3 y A2, y se detectó presencia de mutaciones de resistencia y escape. El presente estudio constituye un aporte en la epidemiología molecular del VHB en Colombia y la búsqueda de mutaciones en los genes seleccionados es valiosa durante la toma de decisiones en la elección de la terapia antiviral.

Palabras clave: Virus de hepatitis B; HBsAg; genotipo; mutación.



4.3 Material anexo (otros soportes físicos aislados del soporte impreso, y que sean complementarios)

SIN MENCIÓN.

4.4 Otros soportes (réplica total del trabajo en otros soportes como CD-ROM, DVD, etc.)

CD-ROM.

4.4.1 Requerimientos técnicos de legibilidad de otros soportes no impresos

(pdf, word, etc.): NINGUNO.5.

5. DESCRIPTORES

5.1 Descriptores (palabras claves que representan el contenido del trabajo)

Descriptor principal:

Virus de hepatitis B; HBsAg; genotipo; mutación.

El(los) abajo firmante(s), actuando en calidad autor(es) de trabajo de tesis, trabajo de grado, monografía denominado como relaciona el ítem 2.1 de este documento, hago entrega del ejemplar respectivo y autorizo a la Universidad El Bosque, para que utilice y use en todas sus formas, los derechos patrimoniales de reproducción, comunicación pública, transformación y distribución (alquiler, préstamo público e importación) que me(nos) corresponde como acreedor de la obra objeto del presente documento.

PARÁGAFO: La presente autorización se hace extensiva no solo a las facultades y derechos de uso sobre la obra en formato o soporte material, sino también para formato virtual, digital, óptico, uso en red, internet, extranet, intranet, etc. y en general para cualquier formato conocido o por conocer.



UNIVERSIDAD
EL BOSQUE

El(los) autor(es) manifiesta(n) que la obra objeto de la presente autorización es original se realizó sin violar o usurpar derechos de autor de terceros, por lo tanto la obra es de su exclusiva autoría y detenta la titularidad sobre la misma. PARAGRAFO: En caso de presentarse cualquier reclamación o acción por parte de un tercero en cuanto a los derechos de autor sobre la obra en cuestión, el(los) autor(es) asumirá (n) toda la responsabilidad, y saldrá en defensa de los derechos aquí autorizados; para todos los efectos la Universidad actúa como un tercero de buena fe.

Para constancia se firma el presente documento en la ciudad de Santa fe de Bogotá, a los 31 días del mes de Octubre del año 2018.

FIRMA (y nombre bajo la firma)


Yaneth Forero Castro